

Taxonomic level	M0	REC6	REM6	p-value
Bacilli	19,064±8,956	3,781±1,309	0,897±0,228	0,007
Lactobacillales	16,181±8,078	3,265±1,088	0,771±0,19	0,011
Streptococcaceae	14,196±7,14	2,415±1,011	0,617±0,168	0,011
<i>Streptococcus</i>	14,085±7,163	2,394±1,015	0,59±0,175	0,012
Alphaproteobacteria	8,326±2,956	2,621±1,658	0,526±0,191	0,008
Betaproteobacteria	7,583±2,699	2,152±0,782	1,926±0,828	0,017
Burkholderiales	7,56±2,686	2,083±0,737	1,926±0,828	0,016
Oxalobacteraceae	4,585±2,48	0,8±0,301	0,305±0,098	0,021
Clostridiaceae	3,242±2,214	0,042±0,042	0,008±0,004	0,039
Clostridiaceae 1	3,242±2,214	0,042±0,042	0,008±0,004	0,039
Bacillales	2,883±1,129	0,516±0,278	0,127±0,041	0,002
Staphylococcaceae	2,504±1,143	0,423±0,212	0,119±0,041	0,006
Sphingomonadales	1,862±1,009	0,434±0,208	0,116±0,056	0,028
Sphingomonadaceae	1,862±1,009	0,434±0,208	0,116±0,056	0,028
<i>Sphingomonas</i>	1,862±1,009	0,434±0,208	0,116±0,056	0,028
Carnobacteriaceae	1,839±0,977	0,224±0,124	0,057±0,031	0,013
Granulicatella	1,839±0,977	0,224±0,124	0,057±0,031	0,013
<i>Gemella</i>	1,784±0,794	0,302±0,188	0,063±0,029	0,006
Peptostreptococcaceae	1,768±0,946	0,009±0,007	0,018±0,01	0,008
<i>Sporacetigenium</i>	1,707±0,89	0,002±0,002	0,01±0,008	0,006
Deinococcus-Thermus	1,535±0,684	0,735±0,364	0,058±0,021	0,028
Deinococci	1,535±0,684	0,735±0,364	0,058±0,021	0,028
Thermales	1,535±0,684	0,735±0,364	0,058±0,021	0,028
Thermaceae	1,535±0,684	0,735±0,364	0,058±0,021	0,028
<i>Thermus</i>	1,535±0,684	0,735±0,364	0,058±0,021	0,028
Phyllobacteriaceae	1,415±0,684	0,178±0,107	0,067±0,04	0,008
<i>Mesorhizobium</i>	1,415±0,684	0,178±0,107	0,067±0,04	0,008
Sphingobacteria	0,934±0,503	0,096±0,06	0,084±0,049	0,02
Sphingobacteriales	0,934±0,503	0,096±0,06	0,084±0,049	0,02

Chitinophagaceae	0,844±0,457	0,082±0,058	0,077±0,049	0,021
Staphylococcus	0,719±0,433	0,121±0,047	0,056±0,021	0,041
Bradyrhizobiaceae	0,556±0,211	0,072±0,068	0,029±0,023	0,002
Bradyrhizobium	0,556±0,211	0,072±0,068	0,029±0,023	0,002
Pseudomonadaceae	0,282±0,175	0,006±0,006	0,011±0,011	0,027
Pseudomonas	0,282±0,175	0,006±0,006	0,011±0,011	0,027
Turicibacter	0,077±0,036	0±0	0,016±0,012	0,017
Lachnospiraceae	7,388±2,793	31,014±7,822	27,172±4,778	0,045
Dorea	1,081±0,438	2,445±0,726	5,996±0,943	0,001
Incertae Sedis XIV	1,008±0,262	12,127±3,771	7,617±1,228	0,026
Blautia	1,008±0,262	12,127±3,771	7,617±1,228	0,026
Porphyromonadaceae	0,349±0,207	7,803±3,416	1,125±0,254	0,035
Parabacteroides	0,272±0,174	7,284±3,479	0,641±0,211	0,046

Supp. Table 2: Differentially represented taxa between samples collected at time 0 and 6 months after ICR

Shade less and grey shade lines indicate respectively increased taxa in samples either collected at M0 or M6 in patients with endoscopic recurrence (REC6) or in remission (REM6). Statistics was assessed by ANOVA.